



Universität Regensburg

Prof. Dr. Peter Oefner

Institut für Funktionelle Genomik

Telefon +49 941 943-5014 (-5054)

E-Mail peter.oefner@ur.de

Themengebiete:

- Anwendung von hochdimensionalen Transkriptom-, Proteom- und Metabolom-Datensätzen zur Generierung von diagnostischen, prognostischen und prädikativen Biomarker Signaturen in der Klinik
- Instrumentale bioanalytische Verfahren wie Massenspektrometrie in Kopplung mit Flüssig- und Gaschromatographie, und Kernspinresonanzspektroskopie (NMR-Spektroskopie)
- Mikrobielle Stoffwechselprodukte, z.B. von Darmbakterien, in Stuhlproben und Körperflüssigkeiten wie Blut und Harn
- Tumorstoffwechsel und Immunevasion, d.h. Vermögen von Tumoren der Erkennung und Destruktion durch das körpereigene Immunsystem zu entgehen
- Umfassende Analyse von Proteinen (Proteomik) und Metaboliten (Metabolomik) in Geweben, Zellen und Körperflüssigkeiten

Prof. Dr. Rainer Spang

Lehrstuhl für Statistische Bioinformatik

Telefon +49 941 943-5053

E-Mail rainer.spang@ur.de

Themengebiete:

- Anwendung von hochdimensionalen Proteom- und Metabolom-Datensätzen zur Generierung von diagnostischen, prognostischen und prädikativen Biomarker Signaturen in der Klinik
- Big Data und Machine Learning
- Bioinformatik
- Biostatistik
- Data Science
- Genomik
- Künstliche Intelligenz
- Maschinelles Lernen
- Metastasierung
- Statistik
- Systembiologie von Lymphomen